

Hämatologie Tumorzytogenomik

Einsender:		Patient:	
Name:		Name:	Geschlecht:
Klinik/Labor:		Vorname:	☐ Männlich
Adresse:		Geburtsdatum:	☐ Weiblich
Telefon:		Adresse:	☐ Unbekannt
Befundversand:			
E-Mail:			
(HIN-gesichert)			
Kopieempfänger:			
(HIN-gesicherte E-Mail oder vollständige Adresse)			
Rechnungsadresse:			
☐ Patient ☐ Einsender ☐ andere (vollständige Adresse):			

Untersuchungsmaterial:	Klinische Angaben / Diagnose:																
☐ Heparin Blut ☐ anderes: ☐ Heparin-Knochenmark Minimalvolumen: 5 ml Entnahmedatum: Entnahmezeit:	<table border="0"> <tr> <td>☐ Multiples Myelom</td> <td>☐ MCL</td> <td>☐ CML</td> <td>☐ Diagnose</td> </tr> <tr> <td>☐ CLL</td> <td>☐ Lymphom</td> <td>☐ AML</td> <td>☐ Verlauf</td> </tr> <tr> <td>☐ B-ALL</td> <td>☐ MDS</td> <td>☐ Eosinophilie</td> <td>☐ Rezidiv</td> </tr> <tr> <td>☐ T-ALL</td> <td>☐ MPN</td> <td>☐ weitere:</td> <td></td> </tr> </table>	☐ Multiples Myelom	☐ MCL	☐ CML	☐ Diagnose	☐ CLL	☐ Lymphom	☐ AML	☐ Verlauf	☐ B-ALL	☐ MDS	☐ Eosinophilie	☐ Rezidiv	☐ T-ALL	☐ MPN	☐ weitere:	
☐ Multiples Myelom	☐ MCL	☐ CML	☐ Diagnose														
☐ CLL	☐ Lymphom	☐ AML	☐ Verlauf														
☐ B-ALL	☐ MDS	☐ Eosinophilie	☐ Rezidiv														
☐ T-ALL	☐ MPN	☐ weitere:															
Weitere Angaben / Therapie:																	

Analysenangebot
☐ Fluoreszenz <i>in-situ</i> Hybridisierung (FISH) ☐ Asservierung (FISH)

ALLGEMEINE HINWEISE	
Probenannahme	Montag bis Donnerstag 8.00-17.00 Uhr, Freitag und vor Feiertagen 8.00-14.00 Uhr (bitte Voranmeldung 031 664 19 32).
Probenmaterial	Knochenmark (Heparin) oder Blut (Heparin). Bei AML vorzugsweise Knochenmark. Minimalvolumen: 5 ml. Knochenmarksentnahme: Probe sofort mit dem Antikoagulans mischen. PBL: Heparin ohne Gel, ohne Granulat: S-Monovette orange 7.5 ml oder Vacutainer grün 6 ml KM: Heparin ohne Gel, ohne Granulat: S-Monovette orange 7.5 ml oder Vacutainer grün 6 ml
Versand	Proben sofort nach Entnahme ungekühlt per Express (Mondexpress Swiss Post oder Cityexpress 0800 88 88 88) oder per Kurier (Kuriere werktags an: Murtenstrasse 31, im CGL, 6. Stock) senden. Wichtig: Die Proben müssen innerhalb von 24 Stunden im Labor eintreffen.
Antwortzeit	Eilige Analysen 2-5 Tage, Rest bis 14 Tage
Notfallanalyse	<i>PML::RARA</i> kann als Notfalluntersuchung sofort durchgeführt werden (bitte Voranmeldung 031 664 19 32). Falls telefonische Resultatübermittlung gewünscht ist, bitte Telefonnummer angeben.
Qualität	Aufträge mit unvollständig beschrifteten Röhrchen oder unvollständig ausgefülltem Auftragsformular können aus Sicherheitsgründen nicht angenommen werden. Ebenfalls können aufgrund des Kontaminationsrisikos nur ungeöffnete Probengefässe akzeptiert werden. Vorliegendes Material wird anonymisiert für allfällige Zusatzuntersuchungen, zur internen Q-Kontrolle oder zu Forschungszwecken im Zusammenhang mit der Erkrankung des Patienten verwendet und mehrere Jahre aufbewahrt.
Weitere Informationen	In diesem Labor werden nur tumorzytogenomische Analysen durchgeführt. Es können jedoch auch Keimbahnabnormalitäten festgestellt werden. Asservierte Proben werden max. 5 Jahre aufbewahrt. Die Dauer der Aufbewahrung hängt von der Lagerkapazität ab.

Eingangsdatum:
Eingangszeit:
Visum:

Auftragsformular CGL Hämatologie
Tumorzytogenomik

Version 9.0, 14.07.2025
Seite 1 von 2

Patient:

Name:

Vorname:

Geburtsdatum:

Clinical Genomics Lab (CGL)

Hämatologie

Tumorzytogenomik

FLUORESZENZ *IN-SITU* HYBRIDISIERUNG (FISH)
Es können ganze FISH Panels oder nur einzelne Sonden ausgewählt werden.

- ☐ Multiples Myelom Panel
CDKN2C (p18)/CKS1B [1p-/1q+], MYC Rearrangement, del(13q), IGH Rearrangement, IGH::FGFR3 [t(4;14)], IGH::CCND3 [t(6;14)], IGH::CCND1 [t(11;14)], IGH::MAF [t(14;16)], IGH::MAFB [t(14;20)], del(17p) (TP53 Deletion), Hyperdiploidie
- ☐ CLL Panel
del(11q22.3) (ATM Deletion), Trisomie 12, del(13q), del(17p) (TP53 Deletion)
- ☐ B-ALL Panel (Erwachsene)
BCR::ABL1 [t(9;22)], KMT2A Rearrangement, TCF3 Rearrangement
- ☐ B-ALL Panel (Kinder)
CRLF2 Rearrangement, BCR::ABL1 [t(9;22)], KMT2A Rearrangement, ETV6::RUNX1 [t(12;21)], IGH Rearrangement, TCF3 Rearrangement, Hyperdiploidie
- ☐ T-ALL Panel
TLX3, TRB, BCR::ABL1 [t(9;22)] / ABL1 Amplifikation, del(9p) [CDKN2A/B], TLX1, TCRA/D, TCL1 Rearrangements
- ☐ Mantelzelllymphom
IGH::CCND1 [t(11;14)]
- ☐ Eosinophilie Panel
PDGFRA [inkl. FIP1L1::PDGFRA (CHIC2 Deletion)], PDGFRB, FGFR1, JAK2 Rearrangements
- ☐ MDS Panel
-Y, MECOM Rearrangement (EVI1), del(5q), del(7q) / Monosomie 7, Trisomie 8, del(13q), del(17p) (TP53 Deletion), del(20q)
- ☐ AML Panel
MECOM Rearrangement (EVI1), del(5q), del(7q) / Monosomie 7, Trisomie 8, RUNX1 (21q22) Rearrangement, BCR::ABL1 [t(9;22)], KMT2A Rearrangement, PML::RARA [t(15;17)], CBFB Rearrangement, del(17p) (TP53 Deletion)
- ☐ Reife B-Zellneoplasien
BCL6 Rearrangement, del(7q), MYC Rearrangement, IGH Rearrangement, del(17p) (TP53 Deletion), BCL2 Rearrangement

Einzelsonden

- | | |
|--|--|
| ☐ AFDN::KMT2A [t(6;11)] | ☐ IGK (2p11) |
| ☐ BCL2 (18q21) Rearrangement | ☐ JAK2 (9p24) Rearrangement |
| ☐ BCL6 (3q27) Rearrangement | ☐ KMT2A (11q23.3) Rearrangement |
| ☐ BCR::ABL1 [t(9;22)] | ☐ KMT2A::AFF1 [t(4;11)] |
| ☐ CBFB (16q21-22) Rearrangement | ☐ KMT2A::MLL T3 [t(9;11)] |
| ☐ CBFB::MYH11 [inv(16)/t(16;16)] | ☐ MAL T1 (18q21.3) Rearrangement |
| ☐ CCND1 (11q13.3) Rearrangement | ☐ MECOM Rearrangement [(EVI1);inv(3)(q21q26) / t(3;3)(q21;q26)] |
| ☐ CDKN2C (p18)/CKS1B [1p-/1q+] | ☐ MYC (8q24) Amplifikation |
| ☐ CRLF2 (Xp22.33 / Yp11.32) Rearrangement | ☐ MYC (8q24) Rearrangement |
| ☐ DEK::NUP214 [t(6;9)] | ☐ NUP98 (11p15.4) Rearrangement |
| ☐ del(5q) / Monosomie 5 | ☐ PCM1::JAK2 [t(8;9)] |
| ☐ del(6q) | ☐ PDGFRA (4q12) Rearrangement |
| ☐ del(7q) / Monosomie 7 | ☐ PDGFRB (5q32) Rearrangement |
| ☐ del(9p) [CDKN2A/B] | ☐ PML::RARA [t(15;17)] |
| ☐ del(11q) (ATM Deletion) | ☐ RARA (17q21) Rearrangement |
| ☐ del(13q) | ☐ RUNX1 (21q22) |
| ☐ del(17p) (TP53 Deletion) | ☐ RUNX1::RUNX1T1 [AML1::ETO; t(8;21)] |
| ☐ del(20q) | ☐ TCF3::HLF [t(17;19)] |
| ☐ ETV6 (12p13) Rearrangement | ☐ TCF3::PBX1 [t(1;19)] |
| ☐ ETV6::RUNX1 [t(12;21)] | ☐ TCL1 (14q32.13) Rearrangement |
| ☐ FGFR1 (8p11.2) Rearrangement | ☐ TCRA/D (14q11.2) Rearrangement |
| ☐ IGH (14q32.33) Rearrangement | ☐ TET2 (4q24) Deletion |
| ☐ IGH::BCL2 [t(14;18)] | ☐ TLX1 (10q24.31) Rearrangement |
| ☐ IGH::CCND1 [t(11;14)] | ☐ TLX3 (5q35.1) Rearrangement |
| ☐ IGH::CCND3 [t(6;14)] | ☐ TRB (7q34) Rearrangement |
| ☐ IGH::FGFR3 [t(4;14)] | ☐ Trisomie 8 |
| ☐ IGH::MAF [t(14;16)] | ☐ Zentromere: u.a. XY |
| ☐ IGH::MAFB [t(14;20)] | |
| ☐ IGH::MALT1 [t(14;18)] | |
| ☐ IGH::MYC [t(8;14)] | |