

## Hämatologie genomische Analysen Neoplastische Erkrankungen

Einsender:		Patient:	
Name:	Klinik/Labor:	Name:	Geschlecht:
Adresse:	Telefon:	Vorname:	<input type="checkbox"/> Männlich
		Geburtsdatum:	<input type="checkbox"/> Weiblich
		Adresse:	<input type="checkbox"/> Unbekannt
Befundversand:			
E-Mail: <small>(HIN-gesichert)</small>			
Kopieempfänger: <small>(HIN-gesicherte E-Mail oder vollständige Adresse)</small>			
Rechnungsadresse:			
<input type="checkbox"/> Patient <input type="checkbox"/> Einsender <input type="checkbox"/> andere (vollständige Adresse):			

Untersuchungsmaterial:	Klinische Angaben / Diagnose:				
<input type="checkbox"/> EDTA Blut	<input type="checkbox"/> Liquid Biopsy	<input type="checkbox"/> AML	<input type="checkbox"/> MPN	<input type="checkbox"/> HES	<input type="checkbox"/> Diagnose
<input type="checkbox"/> Heparin Blut	<input type="checkbox"/> PAXgene Blut	<input type="checkbox"/> ALL	<input type="checkbox"/> PV	<input type="checkbox"/> Lymphom	<input type="checkbox"/> Verlauf
<input type="checkbox"/> EDTA-Knochenmark	<input type="checkbox"/> PAXgene Knochenmark	<input type="checkbox"/> CML	<input type="checkbox"/> ET	<input type="checkbox"/> Multiples Myelom	<input type="checkbox"/> Rezidiv
<input type="checkbox"/> Heparin-Knochenmark	<input type="checkbox"/> anderes:	<input type="checkbox"/> MDS	<input type="checkbox"/> PMF	<input type="checkbox"/> weitere:	
Weitere Angaben / Therapie:					
Entnahmedatum:					
Entnahmezeit:					

ALLGEMEINE HINWEISE	
Probenannahme	Montag bis Freitag 8.00-17.00 Uhr.
Probenmaterial	Peripheres Blut (EDTA) oder Knochenmark (EDTA oder Heparin). Bei AML vorzugsweise Knochenmark. Knochenmarksentnahme: Probe sofort mit dem Antikoagulans mischen.
Probenentnahme	Nur Montag bis Donnerstag. Bitte das Auftragsformular vollständig ausfüllen.
Versand	Proben für Leukämien sofort nach Entnahme ungekühlt per Express (Mondexpress Swiss Post oder Cityexpress 0800 88 88 88) oder per Kurier (Kuriere werktags an: Murtenstrasse 31, im CGL, 6.Stock) senden. <b>Wichtig:</b> Die Proben müssen innerhalb von 24 Stunden im Labor eintreffen (Qualität der RNA). Versand übrige Proben: z.T. per A-Post möglich, gemäss spezifischer Angabe bei Anforderung.
Antwortzeit	Analysendauer: 2-5 Tage. Antwortzeit: 5-10 Tage, komplexe Analysen bis 20 Tage.
Leukämien am Freitag und Wochenende	Bei Verdacht auf Leukämie am Freitag und Wochenende: Bitte die Proben in zwei PAXgene (Stabilisierung der RNA) und ein EDTA Röhrchen (für DNA) aufnehmen. PAXgene Röhrchen für Blut und Knochenmark sind im Labor erhältlich.
Liquid Biopsy	Für Liquid Biopsy werden spezielle Röhrchen (cell-free DNA Collection Tubes) zur Stabilisierung der zellfreien DNA benötigt, welche auf Anfrage im Labor bezogen werden können (031 632 03 09 oder E-Mail).
Notfallanalyse	<i>PML::RARA</i> wird als Notfalluntersuchung sofort durchgeführt (bitte Voranmeldung 031 632 03 09).
Qualität	Aufträge mit unvollständig beschrifteten Röhrchen oder unvollständig ausgefülltem Auftragsformular können aus Sicherheitsgründen nicht angenommen werden. Ebenfalls können aufgrund des Kontaminationsrisikos nur ungeöffnete Probengefässe akzeptiert werden. Vorliegendes Material wird für allfällige Zusatzuntersuchungen, zur internen Q-Kontrolle oder zu Forschungszwecken im Zusammenhang mit der Erkrankung des Patienten anonymisiert verwendet und mehrere Jahre aufbewahrt.

 Eingangsdatum: .....  
 Eingangszeit: .....  
 Visum: .....

 Auftragsformular CGL Hämatologie  
 Neoplastische Erkrankungen

 Version 5.0, 30.12.2024  
 Seite 1 von 3

<b>Patient:</b>
Name:
Vorname:
Geburtsdatum:

<b>AML, Diagnose</b> <small>Material 10 ml EDTA Blut oder 5 ml Knochenmark (EDTA / Heparin)</small>		<b>AML, Verlauf</b> <small>Material 20 ml EDTA Blut oder 5 ml Knochenmark (EDTA / Heparin)</small>	
<input type="checkbox"/> Myeloisches NGS Panel <sup>A</sup> (Mutationen & Rearrangements)	Express 1)	<input type="checkbox"/> <i>RUNX1::RUNX1T1</i> t(8;21), quantitativ	Express 1)
<input type="checkbox"/> Myeloisches NGS Panel (Mutationen) <sup>A</sup>	A-Post	<input type="checkbox"/> <i>CBFB::MYH11</i> inv(16), quantitativ	Express 1)
<input type="checkbox"/> Myeloisches NGS Panel (Rearrangements) <sup>A</sup>	Express 1)	<input type="checkbox"/> <i>NPM1</i> , quantitativ	Express 1)
<input type="checkbox"/> <i>FLT3</i> (ITD & TKD Mutationen)	Express 1)	<input type="checkbox"/> <i>PML::RARA</i> t(15;17), quantitativ	Express 1)
<input type="checkbox"/> <i>PML::RARA</i> t(15;17)	Express 1)	<input type="checkbox"/> <i>FLT3</i> (ITD & TKD Mutationen), Verlauf	Express 1)
<input type="checkbox"/> <i>IDH1/2</i> : 4 Hotspot-Mutationen (HOVON-Studie, qualitativ)	Express 1)	<input type="checkbox"/> <i>IDH1</i> : <input type="checkbox"/> R132C <input type="checkbox"/> R132H	A-Post
<input type="checkbox"/> Weitere Analysen:	Express 1)	<input type="checkbox"/> <i>IDH2</i> : <input type="checkbox"/> R140Q <input type="checkbox"/> R172K	
		<input type="checkbox"/> weitere Rearrangements, Verlauf:	Express 1)
		<input type="checkbox"/> weitere Mutationen, Verlauf:	A-Post
<b>MYELOPROLIFERATIVE NEOPLASIEEN</b> <small>Material 10 ml EDTA Blut oder 5 ml Knochenmark (EDTA / Heparin)</small>			
<input type="checkbox"/> <i>JAK2</i> V617F (PV)	A-Post	<input type="checkbox"/> Myeloisches NGS Panel <sup>A</sup> (Mutationen & Rearrangements)	Express 1)
<input type="checkbox"/> <i>JAK2</i> V617F → <i>CALR</i> → <i>MPL</i> Algorithmus (ET, PMF)	A-Post	<input type="checkbox"/> Myeloisches NGS Panel (Mutationen) <sup>A</sup>	A-Post
<input type="checkbox"/> <i>CALR</i> (Calreticulin) (ET, PMF)	A-Post	<input type="checkbox"/> Myeloisches NGS Panel (Rearrangements) <sup>A</sup>	Express 1)
<input type="checkbox"/> <i>MPL</i> Mutationen (ET, PMF)	A-Post	<input type="checkbox"/> Mastozytose Panel: <i>ASXL1</i> , <i>KIT</i> , <i>RUNX1</i> , <i>SRSF2</i>	A-Post
<input type="checkbox"/> <i>JAK2</i> Exon 12 (PV, IE)	A-Post	<input type="checkbox"/> <i>KIT</i> D816V	A-Post
		<input type="checkbox"/> <i>FIP1L1::PDGFRA</i> (HES, CEL)	Express 1)
		<input type="checkbox"/> Rearrangements bei Eosinophilie, NGS mit u.a. folgenden Genen: <i>PDGFRA</i> , <i>PDGFRB</i> , <i>FGFR1</i> , <i>PCM1::JAK2</i>	Express 1)
<b>CML, Diagnose</b> <small>Material 10 ml EDTA Blut oder 5 ml Knochenmark (EDTA / Heparin)</small>		<b>CML, Verlauf</b> <small>Material 20 ml EDTA Blut oder 5 ml Knochenmark (EDTA / Heparin)</small>	
<input type="checkbox"/> <i>BCR::ABL1</i>	Express 1)	<input type="checkbox"/> <i>BCR::ABL1</i> , quantitativ	Express 1)
		<input type="checkbox"/> <i>BCR::ABL1</i> Mutationen (TKI-Resistenz ab 0.1% IS) Transkript:	Express 1)
<b>MDS, CMML</b> <small>Material 10 ml EDTA Blut oder 5 ml Knochenmark (EDTA / Heparin)</small>			
<input type="checkbox"/> Myeloisches NGS Panel (Mutationen) <sup>A</sup>	A-Post	<input type="checkbox"/> CMML Panel <sup>B</sup>	A-Post
<input type="checkbox"/> MDS prognostisches Panel: <i>ASXL1</i> , <i>EZH2</i> , <i>RUNX1</i> , <i>TP53</i>	A-Post	<input type="checkbox"/> <i>SF3B1</i> (insbesondere auch bei Ringsideroblasten)	A-Post
<b>THROMBOSERISIKOFAKTOREN</b> <small>Material 2 ml EDTA Blut</small>			
<input type="checkbox"/> Faktor II (Prothrombin 20210G>A) <sup>*</sup>	A-Post	<input type="checkbox"/> Faktor V Leiden R506Q <sup>*</sup>	A-Post
<b>WEITERE ANALYSEN</b>			
<input type="checkbox"/> Asservieren	Express 1)	<input type="checkbox"/> Asservieren für NGS nach Plasmazellseparation <sup>C</sup>	Express 2)
<input type="checkbox"/> Weitere Analysen:	(Anfrage: 031 632 03 09)		

**Express 1) Freitag und Wochenende: Versand in 2 PAXgene Röhrchen (beim Myeloischen NGS Panel zusätzlich ein EDTA Röhrchen).**

**Express 2) Proben für das Multiple Myelom NGS Panel müssen bis spätestens Freitagmittag im Originalröhrchen im Labor eintreffen.**

(\* ) Die Analyse von konstitutionellen Mutationen unterliegt dem Gengesetz. Der zuweisende Arzt ist verpflichtet, den Patienten zu informieren und sein Einverständnis dafür einzuholen.

<sup>A</sup> Myeloisches NGS Panel	<b>Mutationen (65 vollständige Gene):</b> <i>ASXL1</i> , <i>ASXL2</i> , <i>ATRX</i> , <i>BCOR</i> , <i>BCORL1</i> , <i>BRAF</i> , <i>CALR</i> , <i>CBL</i> , <i>CDKN2A</i> , <i>CEBPA</i> , <i>CREBBP</i> , <i>CSF3R</i> , <i>CSNK1A1</i> , <i>CTCF</i> , <i>CTNNA1</i> , <i>CUX1</i> , <i>DDX41</i> , <i>DNMT3A</i> , <i>EP300</i> , <i>ETV6</i> , <i>EZH2</i> , <i>FBXW7</i> , <i>FLT3</i> , <i>GATA1</i> , <i>GATA2</i> , <i>GNAS</i> , <i>HRAS</i> , <i>IDH1</i> , <i>IDH2</i> , <i>IKZF1</i> , <i>JAK2</i> , <i>KDM5A</i> , <i>KDM6A</i> , <i>KIT</i> , <i>KMT2D</i> , <i>KMT2C</i> , <i>KRAS</i> , <i>MLL</i> , <i>MPL</i> , <i>MYC</i> , <i>MYD88</i> , <i>NF1</i> , <i>NPM1</i> , <i>NRAS</i> , <i>PHF6</i> , <i>PPM1D</i> , <i>PTEN</i> , <i>PTPN11</i> , <i>RAD21</i> , <i>RB1</i> , <i>RUNX1</i> , <i>SETBP1</i> , <i>SF3B1</i> , <i>SH2B3</i> , <i>SMC1A</i> , <i>SMC3</i> , <i>SRSF2</i> , <i>STAG2</i> , <i>SUZ12</i> , <i>TET2</i> , <i>TP53</i> , <i>U2AF1</i> , <i>WT1</i> , <i>ZBTB7A</i> , <i>ZRSR2</i>
	<b>Rearrangements (325 Rearrangements mit folgenden Genen):</b> <i>ABL1</i> , <i>ALK</i> , <i>BCL2</i> , <i>BRAF</i> , <i>CCND1</i> , <i>CREBBP</i> , <i>EGFR</i> , <i>ETV6</i> , <i>FGFR1</i> , <i>FGFR2</i> , <i>FUS</i> , <i>HMG2A</i> , <i>JAK2</i> , <i>KMT2A</i> (MLL), <i>MECOM</i> , <i>MET</i> , <i>MLLT10</i> , <i>MLLT3</i> , <i>MYBL1</i> , <i>MYH11</i> , <i>NTRK3</i> , <i>NUP214</i> , <i>PDGFRA</i> , <i>PDGFRB</i> , <i>RARA</i> , <i>RBM15</i> , <i>RUNX1</i> , <i>TCF3</i> , <i>TFE3</i>
<sup>B</sup> CMML NGS Panel	<i>ASXL1</i> , <i>CBL</i> , <i>EZH2</i> , <i>JAK2</i> , <i>KRAS</i> , <i>NRAS</i> , <i>RUNX1</i> , <i>SETBP1</i> , <i>SF3B1</i> , <i>SRSF2</i> , <i>TET2</i>
<sup>C</sup> Multiples Myelom NGS Panel	<i>BRAF</i> (Exone 11 und 15), <i>CCND1</i> , <i>DIS3</i> , <i>EGR1</i> , <i>FGFR3</i> , <i>IDH1</i> (Exon 4), <i>IDH2</i> (Exon 4), <i>IRF4</i> (Exon 3), <i>KRAS</i> (Exone 2,3), <i>MYD88</i> (L265P Mut), <i>NRAS</i> (Exone 2,3), <i>PRDM1</i> , <i>TENT5C</i> (FAM46C), <i>TP53</i> , <i>TRAF3</i>
<sup>D</sup> CLL NGS Panel	<i>ATM</i> , <i>BIRC3</i> , <i>BRAF</i> , <i>KRAS</i> , <i>NOTCH1</i> , <i>NRAS</i> , <i>SF3B1</i> , <i>TP53</i> , <i>PLCG2</i> , <i>BTK</i>

**Patient:**

Name:

Vorname:

Geburtsdatum:

**Clinical Genomics Lab (CGL)**

Hämatologie

Neoplastische Erkrankungen

<b>ALL, Diagnose</b> <small>Material 10 ml EDTA Blut oder 5 ml Knochenmark (EDTA / Heparin)</small>		<b>ALL, Verlauf</b> <small>Material 20 ml EDTA Blut oder 5 ml Knochenmark (EDTA / Heparin)</small>	
<input type="checkbox"/> B-ALL-Panel: <small>BCR::ABL1, KMT2A::AFF1 (MLL::AF4), E2A::PBX1</small>	Express 1)	<input type="checkbox"/> BCR::ABL1, quantitativ	Express 1)
<input type="checkbox"/> T-ALL NGS Panel: <small>FBXW7, KRAS, NOTCH1, NRAS, PTEN</small>	A-Post	<input type="checkbox"/> BCR::ABL1 Mutationen (TKI-Resistenz) Transkript:	Express 1)
<input type="checkbox"/> ETV6::RUNX1 (TEL::AML1), t(12;21)	Express 1)	<input type="checkbox"/> weitere Mutationen, Verlauf:	A-Post
<b>CLL / B-ZELL-NEOPLASIEN</b> <small>Material 10 ml EDTA Blut oder 5 ml Knochenmark (EDTA / Heparin)</small>			
<input type="checkbox"/> CLL NGS Panel <sup>D</sup>	A-Post	<input type="checkbox"/> IGH Rearrangement (Klonalität)	A-Post
<input type="checkbox"/> TP53 Mutationen (CLL und andere)	A-Post	<input type="checkbox"/> BRAF V600E (Haarzelleukämie)	A-Post
<input type="checkbox"/> IGHV Mutationsstatus (CLL)	A-Post	<input type="checkbox"/> MYD88 L265P (Morbus Waldenström)	A-Post
		<input type="checkbox"/> Waldenström NGS Panel: <small>CXCR4, TP53, MYD88 L265P</small>	A-Post
<b>KLONALITÄTSANALYSEN</b> <small>Material 10 ml EDTA Blut oder 5 ml Knochenmark (EDTA / Heparin)</small>			
<input type="checkbox"/> IGH Rearrangement (Klonalität)	A-Post	<input type="checkbox"/> TRG Rearrangement (Klonalität)	A-Post
<b>MULTIPLES MYELOM</b> <small>Material 5 ml Knochenmark (EDTA / Heparin). <b>Wichtig:</b> Material darf nicht gekühlt werden.</small>			
<input type="checkbox"/> Multiples Myelom NGS Panel <sup>C</sup>	Express 2)	<input type="checkbox"/> Asservieren für NGS bei Plasmazellerkrankungen <sup>C</sup>	Express 2)
Zellseparation innerhalb 24h: Probe bitte anmelden (031 632 03 09 oder E-Mail)			
<b>CAR-T: Kopienzahl/µg DNA</b> <small>Material 20 ml EDTA Blut</small>			
<input type="checkbox"/> CAR-T Kymriah	A-Post	<input type="checkbox"/> CAR-T bb2121 (Ide-cel)	A-Post
<input type="checkbox"/> CAR-T Yescarta	A-Post	<input type="checkbox"/> CAR-T Carvykti	A-Post
<input type="checkbox"/> CAR-T Tecartus	A-Post	<input type="checkbox"/> CAR-T andere:	A-Post
<input type="checkbox"/> CAR-T JCAR017A	A-Post		
<b>T-ZELL-NEOPLASIEN</b> <small>Material 10 ml EDTA Blut oder 5 ml Knochenmark (EDTA / Heparin)</small>			
<input type="checkbox"/> T-LGL NGS Panel: <small>STAT3, STAT5B, TNFAIP3, KMT2D</small>	A-Post	<input type="checkbox"/> TRG Rearrangement (Klonalität)	A-Post
<b>AUTOINFLAMMATORISCHE SYNDROME</b> <small>Material 2 ml EDTA Blut</small>		<b>PAROXYSMALE NÄCHTLICHE HÄMOGLOBINURIE</b> <small>Material 2 ml EDTA Blut</small>	
<input type="checkbox"/> UBA1 (VEXAS-Syndrom)	A-Post	<input type="checkbox"/> PNH (PIGA Mutationsanalyse)	A-Post
<b>LIQUID BIOPSY</b> <small>Material 3x cell-free DNA Collection Tube (bestellen im Labor: 031 632 03 09 oder E-Mail). <b>Wichtig:</b> Material darf nicht gekühlt werden.</small>			
<input type="checkbox"/> MYD88 L265P	A-Post	<input type="checkbox"/> Asservieren	A-Post
<b>FISH</b> <small>Material 10 ml Heparin-Blut oder 5 ml Heparin-Knochenmark</small>			
Siehe separates Auftragsformular «Hämatologie Tumorzytogenetik»			
<u>Hinweis:</u> Für FISH-Analysen wird ein separates Probenröhrchen benötigt.			