

Hématologie, analyses génomiques

Maladies néoplasiques

Expéditeur:	Patient:		
Nom:	Nom:		Sexe:
Clinique/Laboratoire:	Prénom:		<input type="checkbox"/> Masculin
Adresse:	Date de naissance:		<input type="checkbox"/> Féminin
Téléphone:	Adresse:		<input type="checkbox"/> Inconnu
Envoi du rapport:			
E-Mail: (Sécurisé par HIN)			
Copie pour: (E-Mail sécurisé par HIN)			
Adresse pour la facturation:			
<input type="checkbox"/> Patient <input type="checkbox"/> Expéditeur <input type="checkbox"/> autre (adresse complète):			

Échantillon:	Indication clinique / diagnostic:			
<input type="checkbox"/> Sang EDTA <input type="checkbox"/> Sang héparine <input type="checkbox"/> Moelle osseuse EDTA <input type="checkbox"/> Moelle osseuse héparine	<input type="checkbox"/> Biopsie liquide <input type="checkbox"/> autres:	<input type="checkbox"/> LMA <input type="checkbox"/> LLA <input type="checkbox"/> LMC <input type="checkbox"/> SMD	<input type="checkbox"/> NMP <input type="checkbox"/> PV <input type="checkbox"/> TE <input type="checkbox"/> OMF	<input type="checkbox"/> SHE <input type="checkbox"/> Lymphome <input type="checkbox"/> Myélome multiple <input type="checkbox"/> autre:
Plus d'informations / thérapie:				
Date de prélèvement:				
Heure de prélèvement:				

Informations	
Réception des échantillons	Du lundi au vendredi de 8.00 à 17.00 h.
Échantillon	Sang périphérique (EDTA) ou moelle osseuse (EDTA ou héparine). En cas de suspicion de LMA: moelle osseuse.
Envoi des échantillons	Prélèvement de moelle osseuse: à mélanger immédiatement avec l'anticoagulant. Échantillons de leucémies: le matériel doit être envoyé à température ambiante immédiatement après le prélèvement, soit par <i>courrier A</i> soit par coursier (dans ce cas, livrer à la Murtenstrasse 31, au CGL, 6 ^e étage). Important: Les échantillons doivent arriver au laboratoire dans les 72 heures (Qualité de l'ARN). Autres échantillons: Envoi par courrier A possible pour certains, voir les données spécifiques sur le formulaire.
Résultats	Interprétation et envoi des résultats: 5 à 10 jours. Analyses complexes: jusqu'à 20 jours.
Biopsie liquide	Pour les biopsies liquides (liquid biopsy), des tubes spéciaux (cell-free DNA Collection Tubes) sont nécessaires pour stabiliser l'ADN circulant, ces tubes peuvent être obtenus sur demande au laboratoire (031 632 03 09 ou par e-mail).
Analyse urgente	La recherche du <i>PML::RARA t(15;17)</i> est traitée comme analyse urgente selon l'annonce du médecin (téléphoner au laboratoire pour annoncer l'arrivée de l'échantillon: 031 632 03 09). Si la transmission des résultats par téléphone est souhaitée, veuillez indiquer votre numéro de téléphone.
Qualité	Pour des raisons d'assurance de la qualité nous n'acceptons pas les tubes non identifiés, ni les formulaires de demande d'analyses qui ne sont pas entièrement remplis. De même, dû au risque de contamination, seuls les tubes d'analyses fermés seront acceptés. Le matériel excédentaire est conservé pendant 5 ans au maximum pour d'éventuels examens complémentaires. Les échantillons peuvent être conservés plus longtemps à des fins de contrôle qualité interne ou, sous forme anonymisée, à des fins de recherche en rapport avec la maladie du patient. Le médecin prescripteur est tenu d'en informer le patient et d'obtenir son accord.

CONSERVATION

- | | | | |
|------------------------------------|------------|---|---------|
| <input type="checkbox"/> Conserver | courrier A | <input type="checkbox"/> Conserver après la séparation des plasmocytes
pour le panel NGS myélome multiple ^C | express |
|------------------------------------|------------|---|---------|

Pour la cytogénétique, voir la demande d'analyse séparée pour la «Hématologie cytogénétique des tumeurs»

DIAGNOSTIC LMA Échantillon: 10 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)		SUIVI LMA Échantillon: 20 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)	
<input type="checkbox"/> Panel myéloïde NGS ^A (mutations & translocations)	courrier A	<input type="checkbox"/> RUNX1::RUNX1T1 t(8;21), analyse quantitative	courrier A
<input type="checkbox"/> Panel myéloïde NGS (mutations) ^A	courrier A	<input type="checkbox"/> CBFB::MYH11 inv(16), analyse quantitative	courrier A
<input type="checkbox"/> Panel myéloïde NGS (translocations) ^A	courrier A	<input type="checkbox"/> NPM1, analyse quantitative	courrier A
<input type="checkbox"/> FLT3 (ITD & mutations TKD)	courrier A	<input type="checkbox"/> PML::RARA t(15;17), analyse quantitative	courrier A
<input type="checkbox"/> PML::RARA t(15;17)	courrier A	<input type="checkbox"/> FLT3 (ITD & mutations TKD), suivi	courrier A
<input type="checkbox"/> IDH1/2: 4 mutations les plus courantes (étude HOVON, analyse qualitative)	courrier A	<input type="checkbox"/> IDH1: <input type="checkbox"/> R132C <input type="checkbox"/> R132H	courrier A
<input type="checkbox"/> Autres analyses:		<input type="checkbox"/> IDH2: <input type="checkbox"/> R140Q <input type="checkbox"/> R172K	courrier A
		<input type="checkbox"/> autres mutations, suivi:	courrier A
		<input type="checkbox"/> autres translocations, suivi:	courrier A

NEOPLASIES MYELOPROLIFERATIVES (NMP) Échantillon: 10 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)			
<input type="checkbox"/> JAK2 V617F (PV)	courrier A	<input type="checkbox"/> Panel NMP NGS ^B	courrier A
<input type="checkbox"/> JAK2 V617F → CALR → MPL, algorithme (TE, OMF)	courrier A	<input type="checkbox"/> Panel myéloïde NGS ^A (mutations & translocations)	courrier A
<input type="checkbox"/> CALR (mutations) (TE, OMF)	courrier A	<input type="checkbox"/> Panel myéloïde NGS (mutations) ^A	courrier A
<input type="checkbox"/> MPL mutations (TE, OMF)	courrier A	<input type="checkbox"/> Panel myéloïde NGS (translocations) ^A	courrier A
<input type="checkbox"/> JAK2 exon 12 (PV, EI)	courrier A	<input type="checkbox"/> Panel mastocytose NGS ^C	courrier A
<input type="checkbox"/> KIT (D816V)	courrier A	<input type="checkbox"/> Panel éosinophilie NGS ^D (mutations & translocations)	courrier A
<input type="checkbox"/> FIP1L1::PDGFRA (SHE, LCE)	courrier A	<input type="checkbox"/> Translocations dans le cas d'éosinophilie ^D , NGS avec entre autres les gènes suivants: PDGFRA, PDGFRB, FGFR1, PCM1::JAK2	courrier A

DIAGNOSTIC LMC Échantillon: 10 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)		SUIVI LMC Échantillon: 20 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)	
<input type="checkbox"/> BCR::ABL1	courrier A	<input type="checkbox"/> BCR::ABL1, analyse quantitative	courrier A

SMD, LMMC, LMMJ Échantillon: 10 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)			
<input type="checkbox"/> Panel myéloïde NGS (mutations) ^A	courrier A	<input type="checkbox"/> Panel LMMC CPSS-Mol NGS ^F	courrier A
<input type="checkbox"/> Panel SMD IPSS-M NGS ^E	courrier A	<input type="checkbox"/> Panel LMMJ NGS ^G	courrier A

THROMBOPHILIE Échantillon: 2 ml de sang EDTA			
<input type="checkbox"/> Facteur II (Prothrombin 20210G>A) [*]	courrier A	<input type="checkbox"/> Facteur V Leiden R506Q [*]	courrier A

Patient:
 Nom:
 Prénom:
 Date de naissance:

 Clinical Genomics Lab (CGL)
 Hématologie
 Maladies néoplasiques

DIAGNOSTIC LLA		Échantillon: 10 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)		SUIVI LLA		Échantillon: 20 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)	
<input type="checkbox"/> Panel lymphoïde NGS ^H	(mutations & translocations)		courrier A	<input type="checkbox"/> BCR::ABL1, analyse quantitative		<input type="checkbox"/> BCR::ABL1, analyse quantitative	courrier A
<input type="checkbox"/> Panel lymphoïde NGS ^H	(mutations)		courrier A	<input type="checkbox"/> BCR::ABL1 analyse de mutation (résistance TKI)	Transcrit:	<input type="checkbox"/> BCR::ABL1 analyse de mutation (résistance TKI)	courrier A
<input type="checkbox"/> Panel lymphoïde NGS ^H	(translocations)		courrier A	<input type="checkbox"/> autres mutations, suivi:		<input type="checkbox"/> autres mutations, suivi:	courrier A
<input type="checkbox"/> Panel LLA-T NGS ^I			A-Post	<input type="checkbox"/> autres translocations, suivi:		<input type="checkbox"/> autres translocations, suivi:	courrier A
<input type="checkbox"/> Panel LLA-B NGS ^J			A-Post				
<input type="checkbox"/> Panel LLA-B:			courrier A				
<i>BCR::ABL1, KMT2A::AFF, E2A::PBX1</i>							
<input type="checkbox"/> ETV6::RUNX1			courrier A				

LLC / NEOPLASIES LYMPHOPROLIFERATIVES				Échantillon: 10 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)			
<input type="checkbox"/> LLC panel NGS ^K			courrier A	<input type="checkbox"/> Réarrangement IGH (clonalité)		<input type="checkbox"/> Réarrangement IGH (clonalité)	courrier A
<input type="checkbox"/> TP53 (LLC et autres, mutations)			courrier A	<input type="checkbox"/> BRAF V600E (leucémie à tricholeucocytes)		<input type="checkbox"/> BRAF V600E (leucémie à tricholeucocytes)	courrier A
<input type="checkbox"/> IGHV (mutations)			courrier A	<input type="checkbox"/> MYD88 L265P (Maladie de Waldenström)		<input type="checkbox"/> MYD88 L265P (Maladie de Waldenström)	courrier A
				<input type="checkbox"/> Panel Waldenström NGS:		<input type="checkbox"/> Panel Waldenström NGS:	courrier A
				CXCR4 (Exon 2), MYD88 (Exon 5), TP53			

ANALYSE DE CLONALITÉ				Échantillon: 10 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)			
<input type="checkbox"/> Réarrangement IGH (clonalité)			courrier A	<input type="checkbox"/> Réarrangement TRG (clonalité)		<input type="checkbox"/> Réarrangement TRG (clonalité)	courrier A

MYÉLOME MULTIPLE				Échantillon: 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine) Important: le matériel ne doit pas être refroidi.			
<input type="checkbox"/> Panel myélome multiple NGS ^L		express		<input type="checkbox"/> Conserver après la séparation des plasmocytes pour le panel NGS myélome multiple ^L		<input type="checkbox"/> Conserver après la séparation des plasmocytes pour le panel NGS myélome multiple ^L	express

Séparation des cellules obligatoire dans les 24h: Annoncez l'échantillon SVP (031 632 03 09 ou E-Mail)

CAR-T: Nombre de copies/µg ADN				Échantillon: 10 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)			
<input type="checkbox"/> CAR-T Abecma		A-Post		<input type="checkbox"/> CAR-T Tecartus		<input type="checkbox"/> CAR-T Tecartus	A-Post
<input type="checkbox"/> CAR-T Breyanzi (JCAR017)		A-Post		<input type="checkbox"/> CAR-T Yescarta		<input type="checkbox"/> CAR-T Yescarta	A-Post
<input type="checkbox"/> CAR-T Carvykti		A-Post		<input type="checkbox"/> CAR-T autres:		<input type="checkbox"/> CAR-T autres:	A-Post
<input type="checkbox"/> CAR-T Kymriah		A-Post					

HÉMATOPOÏÈSE CLONALE (CHIP)							
<input type="checkbox"/> Panel CHIP NGS ^M							

LYMPHOME / LEUCÉMIE À CELLULE T				Échantillon: 10 ml sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)			
<input type="checkbox"/> Panel T-LGL NGS: CCL22, KMT2D, STAT3, STAT5B, TET2, TNFAIP3		courrier A		<input type="checkbox"/> Réarrangement TRG (clonalité)		<input type="checkbox"/> Réarrangement TRG (clonalité)	courrier A

SYNDROME AUTO-INFLAMMATOIRE		Échantillon: 2 ml sang EDTA		HÉMOGLOBINURIE PAROXYSMIQUE NOCTURNE (HPN)		Échantillon: 2 ml sang EDTA	
<input type="checkbox"/> UBA1 (VEXAS syndrome)		courrier A		<input type="checkbox"/> Mutations PIGA		<input type="checkbox"/> Mutations PIGA	courrier A

BIOPSIE LIQUIDE				Échantillon: 3x cell-free DNA Collection Tube (à commander au laboratoire: 031 632 03 09 ou par e-mail) Important: le matériel ne doit pas être refroidi.			
<input type="checkbox"/> MYD88 L265P		courrier A		<input type="checkbox"/> Conserver		<input type="checkbox"/> Conserver	courrier A

FISH				Échantillon: 10 ml de sang hépariné ou 5 ml moelle osseuse hépariné			
Voir la demande d'analyse séparée pour la «Hématologie cytogénétique des tumeurs»							

Remarque: Pour l'analyse de FISH nous avons besoin d'un tube séparé.

AUTRES ANALYSES							
<input type="checkbox"/> Autres analyses:				<i>(Demande: 031 632 03 09)</i>			

Patient:	
Nom:	
Prénom:	
Date de naissance:	

Clinical Genomics Lab (CGL)
 Hématologie
 Maladies néoplasiques

express

Les échantillons pour un panel myélome multiple NGS doivent absolument arriver au laboratoire au plus tard le vendredi midi dans le tube d'origine.

(*)

Les analyses des mutations constitutives sont soumises à la loi fédérale sur l'analyse génétique humaine. Le médecin prescripteur s'engage à avoir obtenu l'accord du patient.

^A Myeloisches NGS Panel

Mutationen (73 vollständige Gene): ASXL1, ASXL2, BAX, BCL2, BCOR, BCORL1, BRAF, CALR, CBL, CDKN2A, CEBPA, CSF3R, CXCR4, DCK, DDX41, DHX15, DHX29, DNMT3A, ETNK1, ETV6, EZH2, FBXW7, FLT3, GATA1, GATA2, GNAS, GNB1, HRAS, IDH1, IDH2, JAK2, JAK3, KDM6A, KIT, KMT2A, KRAS, MPL, MYD88, NF1, NFE2, NPM1, NRAS, PDGFRA, PHF6, PIGA, PPM1D, PRPF8, PTEN, PTPN11, RAD21, RRAS, RUNX1, SETBP1, SETD2, SF1, SF3A1, SF3B1, SH2B3, SMC1A, SMC3, SRSF2, STAG2, STAT3, STAT5B, SUZ12, TET2, TP53, U2AF1, U2AF2, UBA1, WT1, ZBTB7A, ZRSR2

Rearrangements: Illumina TruSight RNA Pan-Cancer Panel (1385 Gene)

^B MPN NGS Panel

ASXL1, CALR, CBL, CSF3R, DNMT3A, EZH2, IDH1, IDH2, JAK2, KIT, MPL, SF3B1, SRSF2, TET2, TP53, U2AF1

^C Mastozytose NGS Panel

ASXL1, CBL, DNMT3A, EZH2, JAK2, KIT, KRAS, NRAS, RUNX1, SRSF2, TET2

^D Eosinophilie NGS Panel

Mutationen (17 vollständige Gene): ASXL1, CBL, DNMT3A, EZH2, IDH1, IDH2, JAK2, KIT, KRAS, NRAS, RUNX1, SETBP1, SRSF2, STAG2, STAT5B, TET2, U2AF1

Rearrangements: Illumina TruSight RNA Pan-Cancer Panel (1385 Gene)

^E MDS IPSS-M NGS Panel

ASXL1, BCOR, BCORL1, CBL, CEBPA, DNMT3A, ETNK1, ETV6, EZH2, GATA2, GNB1, IDH1, IDH2, KRAS, NF1, NPM1, NRAS, PHF6, PPM1D, PRPF8, PTPN11, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SRSF2, STAG2, TP53, U2AF1, WT1

^F CMML CPSS-Mol NGS Panel

ASXL1, CBL, EZH2, JAK2, KIT, KRAS, NRAS, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SRSF2, TET2, TP53

^G JMML NGS Panel

ASXL1, CBL, JAK3, KRAS, NF1, NRAS, PTPN11, SETBP1, SH2B3, TET2, TP53

^H Lymphatisches NGS Panel

Mutationen (63 vollständige Gene und Hotspots): ATM, BCL2 (Exon 2), BIRC3, BRAF (Exon 15), BTK (Exon 14,15,16), CARD11, CCL22 (Exon 2), CCND1, CREBBP (Exon 26,27,31), CRLF2, CXCR4 (Exon 2), CYLD, DIS3 (Exon 17), DNM2, DNMT3A, EGR1, EGR2, EPOR, TENT5C, FBXW7 (Exon 11,12), FGFR3, FLT3, HIST1H1B, HIST1H1C, HIST1H1D, HIST1H1E, IDH1 (Exon 4), IDH2 (Exon 4), IKZF1 (Exon 4-7), IL7R (Exon 6), IRF4 (Exon 3), JAK1 (Exon 11-25), JAK2 (Exon 14,16), JAK3 (Exon 13), KMT2D, KRAS (Exon 2,3), LEF1, MAP2K1 (Exon 2,3), MAX, MYD88 (Exon 5), NFKBIE, NOTCH1 (Exon 26,27,34), NRAS (Exon 2,3), PAX5 (Exon 3), PHF6, PLCG2 (Exon 19,20,24,30), POT1, PRDM1, PTEN, RB1, RPS15, SF3B1 (Exon 14-16), STAT3, STAT5B, TET2, TNFAIP3, TP53, TRAF3, WT1, XPO1 (Exon 15)

Rearrangements: Illumina TruSight RNA Pan-Cancer Panel (1385 Gene)

^I T-ALL NGS Panel

CREBBP (Exon 26,27,31), DNM2, DNMT3A, FBXW7 (Exon 11,12), IL7R (Exon 6), JAK1 (Exon 11-25), JAK3 (Exon 13), KRAS (Exon 2,3), LEF1, NOTCH1 (Exon 26,27,34), NRAS (Exon 2,3), PHF6, PTEN, WT1

^J B-ALL NGS Panel

CREBBP (Exon 26,27,31), CRLF2, EPOR, FLT3, IKZF1 (Exon 4-7), JAK1 (Exon 11-25), JAK2 (Exon 14,16), KRAS (Exon 2,3), NRAS (Exon 2,3), PAX5 (Exon 3)

^K CLL NGS Panel

ATM, BCL2 (Exon 2), BIRC3, BRAF (Exon 15), BTK (Exon 14,15,16), CARD11, EGR2, KRAS (Exon 2,3), MYD88 (Exon 5), NFKBIE, NOTCH1 (Exon 26,27,34), NRAS (Exon 2,3), PLCG2 (Exon 19,20,24,30), POT1, RPS15, SF3B1 (Exon 14-16), TP53, XPO1 (Exon 15)

^L Multiples Myelom NGS Panel

BRAF (Exon 15), CCND1, CYLD, DIS3 (Exon 17), EGR1, TENT5C, FGFR3, HIST1H1B, HIST1H1C, HIST1H1D, HIST1H1E, IDH1 (Exon 4), IDH2 (Exon 4), IRF4 (Exon 3), KRAS (Exon 2,3), MAX, MYD88 (Exon 5), NRAS (Exon 2,3), PRDM1, RB1, TP53, TRAF3

^M CHIP NGS Panel

ASXL1, BCOR, BCORL1, CBL, DNMT3A, ETV6, FLT3, GNAS, IDH1, IDH2, JAK2, KRAS, NRAS, PHF6, PPM1D, RUNX1, SF3B1, SRSF2, STAG2, TET2, TP53, U2AF1, ZRSR2