

## Hématologie, analyses génomiques

### Maladies néoplasiques

Expéditeur:	Patient:
Nom:	Nom:
Clinique/Laboratoire:	Prénom:
Adresse:	Date de naissance:
Téléphone:	Adresse:
Sexe:	
<input type="checkbox"/> Masculin	
<input type="checkbox"/> Féminin	
<input type="checkbox"/> Inconnu	
Envoi du rapport:	
E-Mail: (Sécurisé par HIN)	
Copie pour: (E-Mail sécurisé par HIN)	
Adresse pour la facturation:	
<input type="checkbox"/> Patient <input type="checkbox"/> Expéditeur <input type="checkbox"/> autre (adresse complète):	

Échantillon:	Indication clinique / diagnostic:
<input type="checkbox"/> Sang EDTA <input type="checkbox"/> Biopsie liquide <input type="checkbox"/> Sang héparine <input type="checkbox"/> autres: <input type="checkbox"/> Moelle osseuse EDTA <input type="checkbox"/> Moelle osseuse héparine	<input type="checkbox"/> LMA <input type="checkbox"/> NMP <input type="checkbox"/> SHE <input type="checkbox"/> Diagnostic <input type="checkbox"/> LLA <input type="checkbox"/> PV <input type="checkbox"/> Lymphome <input type="checkbox"/> Suivi <input type="checkbox"/> LMC <input type="checkbox"/> TE <input type="checkbox"/> Myélome multiple <input type="checkbox"/> Récidive <input type="checkbox"/> SMD <input type="checkbox"/> OMF <input type="checkbox"/> autre:
<b>Plus d'informations / thérapie:</b>	
Date de prélèvement: Heure de prélèvement:	

Informations	
Réception des échantillons	Du lundi au vendredi de 8.00 à 17.00 h.
Échantillon	Sang périphérique (EDTA) ou moelle osseuse (EDTA ou héparine). En cas de suspicion de LMA: moelle osseuse. Prélèvement de moelle osseuse: à mélanger immédiatement avec l'anticoagulant.
Envoi des échantillons	Échantillons de leucémies: le matériel doit être envoyé à température ambiante immédiatement après le prélèvement, soit par <i>courrier A</i> soit par coursier (dans ce cas, livrer à la Murtenstrasse 31, au CGL, 6 <sup>e</sup> étage). <b>Important:</b> Les échantillons doivent arriver au laboratoire dans les 72 heures (Qualité de l'ARN). Autres échantillons: Envoi par courrier A possible pour certains, voir les données spécifiques sur le formulaire.
Résultats	Interprétation et envoi des résultats: 5 à 10 jours. Analyses complexes: jusqu'à 20 jours.
Biopsie liquide	Pour les biopsies liquides (liquid biopsy), des tubes spéciaux (cell-free DNA Collection Tubes) sont nécessaires pour stabiliser l'ADN circulant, ces tubes peuvent être obtenu sur demande au laboratoire (031 632 03 09 ou par e-mail).
Analyse urgente	La recherche du <i>PML::RARA t(15;17)</i> est traitée comme analyse urgente selon l'annonce du médecin (téléphoner au laboratoire pour annoncer l'arrivée de l'échantillon: 031 632 03 09). Si la transmission des résultats par téléphone est souhaitée, veuillez indiquer votre numéro de téléphone.
Qualité	Pour des raisons d'assurance de la qualité nous n'acceptons pas les tubes non identifiés, ni les formulaires de demande d'analyses qui ne sont pas entièrement remplis. De même, dû au risque de contamination, seuls les tubes d'analyses fermés seront acceptés.  Le matériel excédentaire est conservé pendant 5 ans au maximum pour d'éventuels examens complémentaires. Les échantillons peuvent être conservés plus longtemps à des fins de contrôle qualité interne ou, sous forme anonymisée, à des fins de recherche en rapport avec la maladie du patient. Le médecin prescripteur est tenu d'en informer le patient et d'obtenir son accord.

Date d'arrivée: .....  
Heure d'arrivée: .....  
Visum: .....

Demande d'analyse CGL Hématologie  
Maladies néoplasiques

version 5.0, 26.01.2026  
page 1 de 4

**Patient:**

Nom:

Prénom:

Date de naissance:

**Clinical Genomics Lab (CGL)**

Hématologie

Maladies néoplasiques

**CONSERVATION**

- ☐ Conserver *courrier A* ☐ Conserver après la séparation des plasmocytes pour le panel NGS myélome multiple <sup>C</sup> **express**
- Pour la cytogénétique, voir la demande d'analyse séparée pour la «Hématologie cytogénétique des tumeurs»

**DIAGNOSTIC LMA** Échantillon: 10 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)

- ☐ Panel myéloïde NGS <sup>A</sup> (mutations & translocations) *courrier A*
- ☐ Panel myéloïde NGS (mutations) <sup>A</sup> *courrier A*
- ☐ Panel myéloïde NGS (translocations) <sup>A</sup> *courrier A*
- ☐ FLT3 (ITD & mutations TKD) *courrier A*
- ☐ PML::RARA t(15;17) *courrier A*
- ☐ IDH1/2: 4 mutations les plus courantes (étude HOVON, analyse qualitative) *courrier A*
- ☐ Autres analyses:

**SUIVI LMA** Échantillon: 20 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)

- ☐ RUNX1::RUNX1T1 t(8;21), analyse quantitative *courrier A*
- ☐ CBFβ::MYH11 inv(16), analyse quantitative *courrier A*
- ☐ NPM1, analyse quantitative *courrier A*
- ☐ PML::RARA t(15;17), analyse quantitative *courrier A*
- ☐ FLT3 (ITD & mutations TKD), suivi *courrier A*
- ☐ IDH1: ☐R132C ☐R132H *courrier A*
- ☐ IDH2: ☐R140Q ☐R172K *courrier A*
- ☐ autres mutations, suivi: *courrier A*
- ☐ autres translocations, suivi: *courrier A*

**NEOPLASIES MYELOPROLIFERATIVES (NMP)** Échantillon: 10 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)

- ☐ JAK2 V617F (PV) *courrier A*
- ☐ JAK2 V617F → CALR → MPL, algorithme (TE, OMF) *courrier A*
- ☐ CALR (mutations) (TE, OMF) *courrier A*
- ☐ MPL mutations (TE, OMF) *courrier A*
- ☐ JAK2 exon 12 (PV, EI) *courrier A*
- ☐ KIT (D816V) *courrier A*
- ☐ FIP1L1::PDGFRA (SHE, LCE) *courrier A*
- ☐ Panel NMP NGS <sup>B</sup> *courrier A*
- ☐ Panel myéloïde NGS <sup>A</sup> (mutations & translocations) *courrier A*
- ☐ Panel myéloïde NGS (mutations) <sup>A</sup> *courrier A*
- ☐ Panel myéloïde NGS (translocations) <sup>A</sup> *courrier A*
- ☐ Panel mastocytose NGS <sup>C</sup> *courrier A*
- ☐ Panel éosinophilie NGS <sup>D</sup> (mutations & translocations) *courrier A*
- ☐ Translocations dans le cas d'éosinophilie <sup>D</sup>, NGS avec entre autres les gènes suivants: PDGFRA, PDGFRB, FGFR1, PCM1::JAK2 *courrier A*

**DIAGNOSTIC LMC** Échantillon: 10 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)

- ☐ BCR::ABL1 *courrier A*

**SUIVI LMC** Échantillon: 20 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)

- ☐ BCR::ABL1, analyse quantitative *courrier A*
- ☐ BCR::ABL1 mutation (résistance aux TKI) Transcrit: *courrier A*

**SMD, LMMC, LMMJ** Échantillon: 10 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)

- ☐ Panel myéloïde NGS (mutations) <sup>A</sup> *courrier A*
- ☐ Panel SMD IPSS-M NGS <sup>E</sup> *courrier A*
- ☐ Panel LMMC CPSS-Mol NGS <sup>F</sup> *courrier A*
- ☐ Panel LMMJ NGS <sup>G</sup> *courrier A*

**THROMBOPHILIE** Échantillon: 2 ml de sang EDTA

- ☐ Facteur II (Prothrombin 20210G>A) <sup>\*</sup> *courrier A*
- ☐ Facteur V Leiden R506Q <sup>\*</sup> *courrier A*

**Patient:**

Nom:

Prénom:

Date de naissance:

**Clinical Genomics Lab (CGL)**

Hématologie

Maladies néoplasiques

DIAGNOSTIC LLA Échantillon: 10 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)		SUIVI LLA Échantillon: 20 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)	
<input type="checkbox"/> Panel lymphoïde NGS <sup>H</sup> (mutations & translocations)	courrier A	<input type="checkbox"/> BCR::ABL1, analyse quantitative	courrier A
<input type="checkbox"/> Panel lymphoïde NGS <sup>H</sup> (mutations)	courrier A	<input type="checkbox"/> BCR::ABL1 analyse de mutation (résistance TKI) Transcrit:	courrier A
<input type="checkbox"/> Panel lymphoïde NGS <sup>H</sup> (translocations)	courrier A	<input type="checkbox"/> autres mutations, suivi:	courrier A
<input type="checkbox"/> Panel LLA-T NGS <sup>I</sup>	A-Post	<input type="checkbox"/> autres translocations, suivi:	courrier A
<input type="checkbox"/> Panel LLA-B NGS <sup>J</sup>	A-Post		
<input type="checkbox"/> Panel LLA-B: BCR::ABL1, KMT2A::AFF, E2A::PBX1	courrier A		
<input type="checkbox"/> ETV6::RUNX1	courrier A		
<b>LLC / NEOPLASIES LYMPHOPROLIFÉRATIVES</b> Échantillon: 10 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)			
<input type="checkbox"/> LLC panel NGS <sup>K</sup>	courrier A	<input type="checkbox"/> Réarrangement IGH (clonalité)	courrier A
<input type="checkbox"/> TP53 (LLC et autres, mutations)	courrier A	<input type="checkbox"/> BRAF V600E (leucémie à tricholeucocytes)	courrier A
<input type="checkbox"/> IGHV (mutations)	courrier A	<input type="checkbox"/> MYD88 L265P (Maladie de Waldenström)	courrier A
		<input type="checkbox"/> Panel Waldenström NGS: CXCR4 (Exon 2), MYD88 (Exon 5), TP53	courrier A
<b>ANALYSE DE CLONALITÉ</b> Échantillon: 10 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)			
<input type="checkbox"/> Réarrangement IGH (clonalité)	courrier A	<input type="checkbox"/> Réarrangement TRG (clonalité)	courrier A
<b>MYÉLOME MULTIPLE</b> Échantillon: 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine) <b>Important:</b> le matériel ne doit pas être refroidi.			
<input type="checkbox"/> Panel myélome multiple NGS <sup>L</sup>	<b>express</b>	<input type="checkbox"/> Conserver après la séparation des plasmocytes pour le panel NGS myélome multiple <sup>L</sup>	<b>express</b>
Séparation des cellules obligatoire dans les 24h: Annoncez l'échantillon SVP (031 632 03 09 ou E-Mail)			
<b>CAR-T: Nombre de copies/µg ADN</b> Échantillon: 10 ml de sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)			
<input type="checkbox"/> CAR-T Abecma	A-Post	<input type="checkbox"/> CAR-T Tecartus	A-Post
<input type="checkbox"/> CAR-T Breyanzi (JCAR017)	A-Post	<input type="checkbox"/> CAR-T Yescarta	A-Post
<input type="checkbox"/> CAR-T Carvykti	A-Post	<input type="checkbox"/> CAR-T autres:	A-Post
<input type="checkbox"/> CAR-T Kymriah	A-Post		
<b>HÉMATOPOÏÈSE CLONALE (CHIP)</b>			
<input type="checkbox"/> Panel CHIP NGS <sup>M</sup>			
<b>LYMPHOME / LEUCÉMIE À CELLULE T</b> Échantillon: 10 ml sang EDTA ou 5 ml moelle osseuse (EDTA/héparine)			
<input type="checkbox"/> Panel T-LGL NGS: CCL22, KMT2D, STAT3, STAT5B, TET2, TNFAIP3	courrier A	<input type="checkbox"/> Réarrangement TRG (clonalité)	courrier A
<b>SYNDROME AUTO-INFLAMMATOIRE</b> Échantillon: 2 ml sang EDTA		<b>HÉMOGLOBINURIE PAROXYSTIQUE NOCTURNE (HPN)</b> Échantillon: 2 ml sang EDTA	
<input type="checkbox"/> UBA1 (VEXAS syndrome)	courrier A	<input type="checkbox"/> Mutations PIGA	courrier A
<b>BIOPSIE LIQUIDE:</b> Échantillon: 3x cell-free DNA Collection Tube (à commander au laboratoire: 031 632 03 09 ou par e-mail) <b>Important:</b> le matériel ne doit pas être refroidi.			
<input type="checkbox"/> MYD88 L265P	courrier A	<input type="checkbox"/> Conserver	courrier A
<b>FISH</b> Échantillon: 10 ml de sang hépariné ou 5 ml moelle osseuse hépariné			
Voir la demande d'analyse séparée pour la «Hématologie cytogénétique des tumeurs»			
<u>Remarque:</u> Pour l'analyse de FISH nous avons besoin d'un tube séparé.			
<b>AUTRES ANALYSES</b>			
<input type="checkbox"/> Autres analyses:		(Demande: 031 632 03 09)	

**Patient:**

Nom:

Prénom:

Date de naissance:

**Clinical Genomics Lab (CGL)**  
Hématologie  
Maladies néoplasiques

**express**
**Les échantillons pour un panel myélome multiple NGS doivent absolument arriver au laboratoire au plus tard le vendredi midi dans le tube d'origine.**

(\*)

Les analyses des mutations constitutives sont soumises à la loi fédérale sur l'analyse génétique humaine. Le médecin prescripteur s'engage à avoir obtenu l'accord du patient.

<sup>A</sup> Myeloisches NGS Panel	<b>Mutationen (73 vollständige Gene):</b> ASXL1, ASXL2, BAX, BCL2, BCOR, BCORL1, BRAF, CALR, CBL, CDKN2A, CEBPA, CSF3R, CXCR4, DCK, DDX41, DHX15, DHX29, DNMT3A, ETNK1, ETV6, EZH2, FBXW7, FLT3, GATA1, GATA2, GNAS, GNB1, HRAS, IDH1, IDH2, JAK2, JAK3, KDM6A, KIT, KMT2A, KRAS, MPL, MYD88, NF1, NFE2, NPM1, NRAS, PDGFRA, PHF6, PIGA, PPM1D, PRPF8, PTEN, PTPN11, RAD21, RRAS, RUNX1, SETBP1, SETD2, SF1, SF3A1, SF3B1, SH2B3, SMC1A, SMC3, SRSF2, STAG2, STAT3, STAT5B, SUZ12, TET2, TP53, U2AF1, U2AF2, UBA1, WT1, ZBTB7A, ZRSR2 <b>Rearrangements:</b> Illumina TruSight RNA Pan-Cancer Panel (1385 Gene)
<sup>B</sup> MPN NGS Panel	ASXL1, CALR, CBL, CSF3R, DNMT3A, EZH2, IDH1, IDH2, JAK2, KIT, MPL, SF3B1, SRSF2, TET2, TP53, U2AF1
<sup>C</sup> Mastrozytose NGS Panel	ASXL1, CBL, DNMT3A, EZH2, JAK2, KIT, KRAS, NRAS, RUNX1, SRSF2, TET2
<sup>D</sup> Eosinophilie NGS Panel	<b>Mutationen (17 vollständige Gene):</b> ASXL1, CBL, DNMT3A, EZH2, IDH1, IDH2, JAK2, KIT, KRAS, NRAS, RUNX1, SETBP1, SRSF2, STAG2, STAT5B, TET2, U2AF1 <b>Rearrangements:</b> Illumina TruSight RNA Pan-Cancer Panel (1385 Gene)
<sup>E</sup> MDS IPSS-M NGS Panel	ASXL1, BCOR, BCORL1, CBL, CEBPA, DNMT3A, ETNK1, ETV6, EZH2, GATA2, GNB1, IDH1, IDH2, KRAS, NF1, NPM1, NRAS, PHF6, PPM1D, PRPF8, PTPN11, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SRSF2, STAG2, TP53, U2AF1, WT1
<sup>F</sup> CMML CPSS-Mol NGS Panel	ASXL1, CBL, EZH2, JAK2, KIT, KRAS, NRAS, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SRSF2, TET2, TP53
<sup>G</sup> JMML NGS Panel	ASXL1, CBL, JAK3, KRAS, NF1, NRAS, PTPN11, SETBP1, SH2B3, TET2, TP53
<sup>H</sup> Lymphatisches NGS Panel	<b>Mutationen (63 vollständige Gene und Hotspots):</b> ATM, BCL2 (Exon 2), BIRC3, BRAF (Exon 15), BTK (Exon 14,15,16), CARD11, CCL22 (Exon 2), CCND1, CREBBP (Exon 26,27,31), CRLF2, CXCR4 (Exon 2), CYLD, DIS3 (Exon 17), DNM2, DNMT3A, EGR1, EGR2, EPOR, TENT5C, FBXW7 (Exon 11,12), FGFR3, FLT3, HIST1H1B, HIST1H1C, HIST1H1D, HIST1H1E, IDH1 (Exon 4), IDH2 (Exon 4), IKZF1 (Exon 4-7), IL7R (Exon 6), IRF4 (Exon 3), JAK1 (Exon 11-25), JAK2 (Exon 14,16), JAK3 (Exon 13), KMT2D, KRAS (Exon 2,3), LEF1, MAP2K1 (Exon 2,3), MAX, MYD88 (Exon 5), NFKBIE, NOTCH1 (Exon 26,27,34), NRAS (Exon 2,3), PAX5 (Exon 3), PHF6, PLCG2 (Exon 19,20,24,30), POT1, PRDM1, PTEN, RB1, RPS15, SF3B1 (Exon 14-16), STAT3, STAT5B, TET2, TNFAIP3, TP53, TRAF3, WT1, XPO1 (Exon 15) <b>Rearrangements:</b> Illumina TruSight RNA Pan-Cancer Panel (1385 Gene)
<sup>I</sup> T-ALL NGS Panel	CREBBP (Exon 26,27,31), DNM2, DNMT3A, FBXW7 (Exon 11,12), IL7R (Exon 6), JAK1 (Exon 11-25), JAK3 (Exon 13), KRAS (Exon 2,3), LEF1, NOTCH1 (Exon 26,27,34), NRAS (Exon 2,3), PHF6, PTEN, WT1
<sup>J</sup> B-ALL NGS Panel	CREBBP (Exon 26,27,31), CRLF2, EPOR, FLT3, IKZF1 (Exon 4-7), JAK1 (Exon 11-25), JAK2 (Exon 14,16), KRAS (Exon 2,3), NRAS (Exon 2,3), PAX5 (Exon 3)
<sup>K</sup> CLL NGS Panel	ATM, BCL2 (Exon 2), BIRC3, BRAF (Exon 15), BTK (Exon 14,15,16), CARD11, EGR2, KRAS (Exon 2,3), MYD88 (Exon 5), NFKBIE, NOTCH1 (Exon 26,27,34), NRAS (Exon 2,3), PLCG2 (Exon 19,20,24,30), POT1, RPS15, SF3B1 (Exon 14-16), TP53, XPO1 (Exon 15)
<sup>L</sup> Multiples Myelom NGS Panel	BRAF (Exon 15), CCND1, CYLD, DIS3 (Exon 17), EGR1, TENT5C, FGFR3, HIST1H1B, HIST1H1C, HIST1H1D, HIST1H1E, IDH1 (Exon 4), IDH2 (Exon 4), IRF4 (Exon 3), KRAS (Exon 2,3), MAX, MYD88 (Exon 5), NRAS (Exon 2,3), PRDM1, RB1, TP53, TRAF3
<sup>M</sup> CHIP NGS Panel	ASXL1, BCOR, BCORL1, CBL, DNMT3A, ETV6, FLT3, GNAS, IDH1, IDH2, JAK2, KRAS, NRAS, PHF6, PPM1D, RUNX1, SF3B1, SRSF2, STAG2, TET2, TP53, U2AF1, ZRSR2